

Bioinformática y análisis de datos ómicos

© Ignacio Varela Egocheaga

Este material se publica bajo licencia Creative Commons CC BY-NC-SA 4.0



EJERCICIO TEMA 2. 2

Alumno:

Realiza las distintas actividades de abajo. Finalmente, convierte este documento a PDF y entrégalo a través del moodle.

1.- Utilizando la función de descarga “Table Browser” dentro del apartado “Tools” de la página de UCSC, descárgate la tabla de genes humanos de NCBI RefSeq exclusivamente del cromosoma 6. Indica el punto de inicio y de final del CDS del gen NM_001253846.2

2.- Utilizando la función “Export data” del navegador de la base de datos de Ensembl, descárgate en formato FASTA la secuencia de nucleótidos del transcrito ENST00000380815.5.

*3.- Usando la opción “Downloads” de la base de datos de Ensembl, accede al sitio FTP de la base de datos y descárgate el archivo gtf más reciente del genoma de ratón (*Mus_musculus*). Indica la posición genómica (cromosoma, inicio y final) del gen *Brca2* en el ratón.*

*4.- Usa la opción “My Data” del navegador del genoma de ratón (versión mm10) para cargar el archivo Bed de la carpeta denominado mm10_RefSeq.bed y poder visualizarlo en el navegador. Adjunta una captura de pantalla del gen *Brca2*.*